

**Réunion annuelle du réseau méthodologique NETBIO du département MIA de l'INRA**  
à l'AgroParisTech 16 rue Claude Bernard, PARIS

\*\*\*\* Mercredi 11 septembre dans la salle Delage \*\*\*\*

13h - 13h30 : Accueil

13h30 - 14h30 : Frédéric Bertrand et Laurent Vallat, leur expérience autour de la collaboration "Reverse-engineering the genetic circuitry of a cancer cell with predicted intervention in chronic lymphocytic leukemia", PNAS 2012.

14h30 – 15h15 :, Simon De Givry, Marie-Laure Martin-Magniette, Françoise Monéger et Matthieu Vignes, retour sur la comparaison des méthodes pour inférer un réseau déjà connu à partir de données transcriptomes. Le réseau est celui publié dans Rota et al. 2011 Plant Cell et qui a été présenté par F. Monéger l'année dernière.

15h15 - 15h45 : Pause

15h45 - 16h30 : Discussion autour du second exposé pour échanger sur les premiers résultats obtenus dans l'objectif d'initier un groupe de travail autour du jeu de données présenté.

\*\*\*\* Jeudi 12 septembre dans la salle Delage \*\*\*\*

8h45 – 9h00 : Accueil

9h00 - 10h00 : Julien Chiquet "Some extensions to the GGM Framework for biological network inference"

10h00 – 10h30 : Yuna Blum "Sparse factor models for gene co-expression networks"

10h30 – 11h00 : Pause

11h00 – 11h30 : Magali Champion "Optimisation convexe pour l'apprentissage de réseaux de régulation de gènes"

11h30- 12h00 : Nathalie Villa "Inference conjointe de réseaux de gènes dans des conditions expérimentales multiples : une approche consensuelle par bootstrap"

12h00 - 12h30 : Néhémy Lim "Operator-valued kernel-based models for gene regulatory network inference"

REPAS offert par NETBIO à l'espace Dubos

14h00 - 15h00 : Andréa Rau "Joint estimation of causal effects from observational and intervention gene expression data"

15h00 - 15h30 : Pierre Hilson "Knowtator, a framework to annotate phenotype-genotype relationships relevant to Arabidopsis leaf growth and development"

15h30 - 16h00 : Pause

16h00 - 16h30 : Claire Nedellec "La tâche d'extraction d'information "Gene Regulation Network in Bacteria" de BioNLP-ST'13"

16h30 - 17h00 : Dialekti Valsamou "Information extraction for the reconstruction of the biological regulatory network during the seed development phase of Arabidopsis thaliana"

17h00 - 17h45 : Discussion sur les perspectives